

参加者の募集は締め切られました

質量分析トレーニングコース

横浜市立大学、国立がん研究センター、北里大学は、文部科学省の先端研究基盤共用促進事業「共用プラットフォーム形成支援プログラム」において、研究者がタンパク質の質量分析を行うことができる臨床質量分析共用プラットフォーム(MS共用PF)を構築し、わが国のプロテオーム研究の推進に役立てたいと考えています。この度、共用プラットフォームの活動の一環として、最新のタンパク質質量分析法に関する実習会を開催いたします。

MS共用PF担当 平野 久, 山田哲司, 小寺義男

日 時: 平成28年11月28日(月)9:00~11月29日(火)18:30

会 場: 横浜市立大学先端医科学研究センター(福浦キャンパス)

〒236-0004 神奈川県横浜市金沢区福浦3-9

横浜新都市交通シーサイドライン「市大医学部駅」下車徒歩5分

主 催: 臨床質量分析共用プラットフォーム

(横浜市立大学、国立がん研究センター、北里大学)

後 援: 日本プロテオーム学会、日本電気泳動学会

東レリサーチセンター,メディカルプロテオスコープ,ABサイエックス,サーモフィッシャー,

ライカ,スクラム, KMデータ

定 員: 10名(希望者が多い場合、選考があります。) 対 象: 大学・研究機関・企業の研究者や大学院生等

参加費: 無料

内容:

講 義 (平野 久, 山田哲司, 尾野雅哉, 小寺義男, 木村弥生 他)

質量分析概論

血中タンパク質のショットガン分析とその応用

翻訳後修飾の解析と疾患プロテオミクス

MRM、DIA解析によるペプチドの定量 など

実 習

リン酸化ペプチドのアフィニティー精製

抗体カラムを用いた血中高濃度タンパク質の除去

血中非変性ペプチドの精製

レーザーマイクロダイセクションによる検体からの試料採取

質量分析装置実習(Orbitrap MS, Q-Tof 5600, Triple-Q 5500)

質量分析データの解析(MRM, DIA解析, Progenesis QIを用いたペプチド定量解析, Keymolnetを用いたパスウェイ解析) など

*11月28日 19:00~ 懇親会 (希望者)があります。

お問い合わせ先:

事務局 香川裕之、木村鮎子(横浜市立大学 先端医科学研究センター)

* お問い合わせには、右記フォームをご利用下さい。 https://goo.gl/forms/ON9uyr9KoPGkLfRM2

臨床質量分析共用プラットフォーム ホームページ URL http://www.masspf.jp

質量分析トレーニングコース プログラム

| | 11月28日(月) | 11月29日 (火) | |
|----------------|--|---|----------------|
| 9:00 | 開会の辞 講義:質量分析概論(平野) 休 憩 | 講義:定量プロテオミクス (ショットガン・TMT)(Thermo) (SWATH・MRM)(AB Sciex) | 9:00 |
| 10:15 | | 休 憩 | 10:30 |
| | 実習 ①:試料調製(1) リン酸化ペプチドのアフィニティー濃縮 | 実習 ④:質量分析装置の原理と試料の分析 | 10:45 |
| | (井野・秋山・木村(鮎子)) | A (Thermo, 香川) B (AB Sciex, 岡山) B (AB Sciex, 岡山) A (Thermo, 香川) | |
| 12:00 | 昼食 | 昼食 | 12:00 |
| | ランチョンセミナー: 質量分析による病態解析(戸田) | ランチョンセミナー: 翻訳後修飾の定量解析(木村(鮎子)) | |
| 13:00 | 講義:ショットガン分析を応用した 疾患関連タンパク質の解析(尾野) | 実習 ⑤:データ解析(1)-1 SWATH (AB Sciex) | 13:00 |
| 14:00 | 休憩 | 休憩 | 14:00 |
| 14:15 | 実習 ②: 試料調製(2) 抗体カラムを用いた血中高濃度タンパク質の 除去および血中非変性ペプチドの調製 | 実習 ⑥:データ解析(1)-2 Skyline/Spectronote (Thermo) | 14:15 |
| | (小寺・紺野・中川・中居・伴) | 休 憩 | 15:15 15:30 |
| 16:00 16:15 | 休 憩 | 実習 ⑦:データ解析(2)-1 Progenesis (スクラム) | 10.00 |
| | 実習 ③:試料調製(3) レーザーマイクロダイセクション (Leica) | 休 憩 | 16:30 16:45 |
| 17:15 | - 休 憩 | 実習 ⑧:データ解析(2)-2 Keymolnet (KM データ) | 10.40 |
| 17:30 | 講義:タンパク質の翻訳後修飾解析 (木村(弥生)) | | |
| 17:45 | 講義:プロテオーム解析による がんの診断と治療薬の開発(山田) | 総合討論 閉会の辞 | 17:45 |
| 18:30 | 計高 | | 18:45 |
| 19:00 | 懇親会(希望者) | | |
| 21:00 | | I | |